

Udvalg for Molekylærpatologi – UMP

15.11.21 10.30-13.00, OUH.

Deltager: LLK, EH, MFB, DØ, MWN

#### Dagsorden

1. Referent
  - a. MWN skriver referat
2. Opdatering af DPAS hjemmeside
  - a. Hjemmesiden opdateres med medlemslister, kvalitetslister, årshjul, dagsordener og referater
  - b. Det diskuteres i hvilket omfang, der skal ligge vejledninger på UMPs hjemmeside og eventuelt linkes til NGCs hjemmeside
3. Orientering om "Variant-forum" / Dorte og Estrid
  - a. I variant-forum er der mulighed for at diskutere svar på fund af varianter så besvarelsen bliver ensartet nationalt
  - b. Der arbejdes med, hvad en svartemplate skal indeholde i forbindelse med store genpaneler
  - c. EH og DØ referer fra mødet, der fremover bliver en årlig begivenhed
  - d. Fremtidige møder kan annonceres via UMP og DPAS
4. Opfølgning på kommissorium og styrelsesvedtægter ang. UMP (udkast vedlagt) / Martin refererer fra bestyrelsen
  - a. Kommissoriet diskuteres og revideres og der udarbejdes et forslag til det reviderede kommissorium, der sættes på dagsordenen til DPAS bestyrelsesmøde den 19. november 2021
5. Opfølgning på årshjul (udkast vedlagt)
  - a. Årshjulet diskuteres og rettes til, det lægges fremover på UMPs hjemmeside
  - b. Årshjulet vil i fremtiden indeholde punkter vedr. revision af hjemmesiden og opdatering af liste over relevante konferencer og møder
6. Henvendelse fra Marianne Bøgevang Jensen ang. udsvær af molekulære analyser, kan det ensrettes på nationalt plan? Eks. BRAF mutationer, som ikke har en klinisk kendt konsekvens. Obs på skelnen mellem rutine prøver og eksperimentelt regi. / Estrid medbringer templates (eksempel vedlagt).
  - a. Molekylærpatologiske svar bør ensrettes i videst muligt omfang
  - b. EH fremlægger et eksempel på en vejledning for analysesvar i integreret diagnostik. Vejledningen fremmer det tværfaglige samarbejde blandt molekulærbiologer, patologer og klinikere
  - c. *Tjekliste til udarbejdelse af vejledninger* opdateres og bruges som udgangspunkt for en ny vejledning for ensartning af svar
  - d. Kodning og rapportering af genvarianter af ukendt klinisk betydning diskuteres – *anden genvariant af ukendt klinisk betydning påvist* foreslås til IT-udvalget som ny kode. Der er enighed om at man som udgangspunkt kun koder fund med kendt klinisk konsekvens, under hensyntagen til eventuelle lokale aftaler med klinikere. Hvis man alligevel mener at der er grund til at kode andre fund, kan ovenstående kode benyttes når den er godkendt af IT-udvalget.

7. Jf pkt 6: Status på dokumentet "Anbefalinger for molekylærpatologiske analyser", som David har korrigeret, jf referat af mødet 5. sept. 2019 og nu kaldes "Tjekliste til udarbejdelse af vejledninger" (vedlagt).
  - a. Dokumentet gennemgås af UMPs medlemmer forud for næste UMP-møde mhp. at bruge dokumentet som vejledning for udsvær af molekylære analyser. Dorthe vil fremsende eksempel på molekylærsvær fra Vejle, og det kan sammen med Estrids eksempel give inspiration til processen.
8. Status på oversigt over kvalitetssikringsprogrammer. Den som ligger på DPAS hjemmeside er fra 2017, revision i 2019?
  - a. Opdateringen af kvalitetssikringsprogrammer er på årshjulet til juni. Dorthe fremsender seneste opdatering fra 2020, som lægges op på hjemmesiden
9. Samarbejde med DMPG
  - a. Behovet for DMPG diskuteres på molekylærpatologisk subgruppemøde på DPAS' årsmøde 2022
10. Nationalt genomcenter, noget nyt?
  - a. Regionernes biogenombank skal opbevare vævsmateriale, der allerede er undersøgt
11. SNOMED-kodning, noget nyt?
  - a. Der foreslås en ny kode jf. ovenstående
12. Nye analyser og metoder?
13. Næste møde
  - a. Tentativ dato er 10. januar 2022 på Herlev Hospital
14. Evt.
  - a. Dorthe beder om at DPAS's bestyrelse tager stilling til specialistuddannelse og autorisation for molekylærbiologer på patologiafdelinger. Martin tager skriv fra Erik Jylling med til DPAS bestyrelsesmøde. Sættes på som punkt til næste møde.